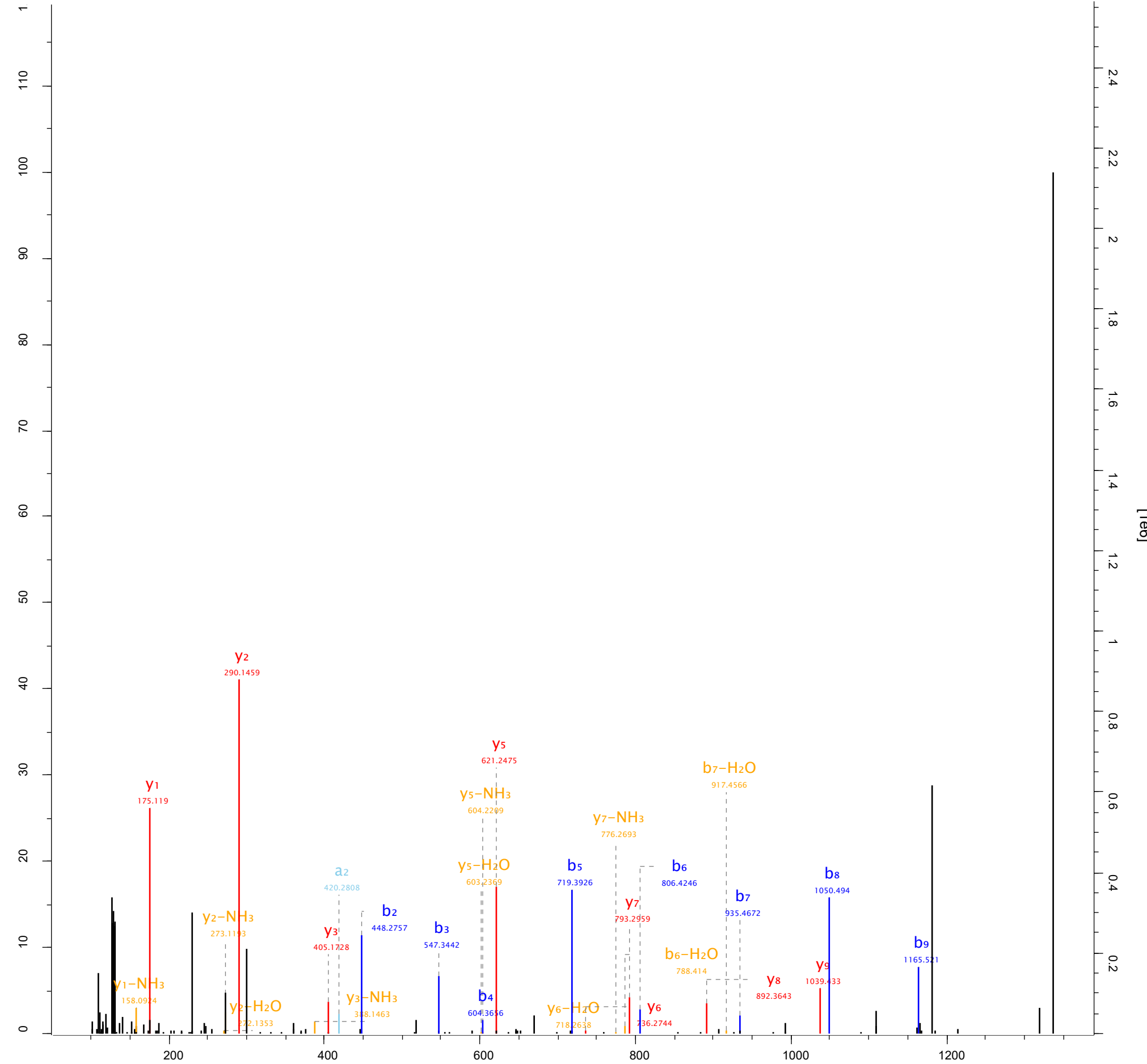


Raw file

Scan	Method	Score	m/z
3545	FTMS; HCD	150.1	670.32

1



- A F V G D S E D D R -

Peptide sequence: FVGDSEDDR

Fragmentation sites (b and y ions):

- b2 (F)
- b3 (V)
- b4 (G)
- b5 (D)
- b6 (S)
- b7 (E)
- b8 (D)
- b9 (D)